Formular drucken

Analysenbegleitschein: Massenspektrometrie

DIP-MS (EI) ☐
GC-MS (EI) ☐

LC-MS Q_3 **(ESI+)** ☐ **(ESI-)** ☐
LC-HRMS **(ESI+)** ☐ **(ESI-)** ☐

Lehrstuhl	Name	Telefon oder Email

Probenbezeichnung:

Struktur / Strukturannahme:

Summenformel:

Molmasse
(oder größte erwartete Masse):

Konzentration der *partikelfreien* Lösung:

(GC: 0,5 – 1 %, LC-Q3: 0,1 – 0,5 %, LC-HRMS: max. 0,1 %)

Reinsubstanz ☐ Reinheitskriterien: GC ☐ MS ☐ Andere:
Gemisch ☐ Bemerkungen:

Syntheseweg / isoliert aus / mögliche Restsubstanzen / Sonstiges:

Empfindlich gegen: Besonderheiten:
Schmelzpunkt in °C: Siedepunkt in °C:
Sublimationsbereich: Löslich in:

GC-MS-Analyse: Bitte die GC-Parameter angeben wie T-Programm, Säulenart, -länge, -durchmesser, -filmdicke, verwendeten GC etc. oder ein Gaschromatogramm vorlegen (wird mit dem Analysen-ergebnis zurückgegeben).

LC-MS-Analyse: Probe in geeignetem Lösungsmittel(gemisch) (Wasser, Acetonitril oder Methanol jeweils HPLC-Grade) abgeben, LC-Parameter angeben wie Gradientenprogramm, Säulenart, -länge, -durchmesser, verwendetes Gerät etc.

Datum Unterschrift

Massenspektrometrie, NW I, Raum 1.1.U1.19, Tel. +49 (0)921 55 2443, ulrike.lacher@uni-bayreuth.de